
3 postes pour programme bioinformatique CIT

Programme CIT de la Ligue contre le Cancer

Date : 3 Dec 2002

De: dessen@infobiogen.fr

A: bioinfo@impg.prd.fr

Dans le cadre du développement du programme CIT "Carte d'identité des tumeurs" de la Ligue Nationale Contre le Cancer, et plus particulièrement dans le cadre du sous-programme CIT3 "base de données intégrée du projet CIT", la Ligue recrute 3 chefs de projet sur CDD pour la durée du programme CIT (prévu jusqu'en 2005). Les postes sont destinés à des ingénieurs ou chercheurs de haut niveau (bac + 8, thèse + post-doc) qui travailleront en groupe sous la direction du coordinateur du volet bio-informatique du programme CIT. Pour pouvoir à terme s'intégrer dans les programmes européens, le projet bioinformatique CIT3 doit se développer dans un cadre de standards compatibles au niveau international.

1) un chef de projet "base de données" :

PROFIL

Le poste est destiné à scientifique ayant une réelle expérience informatique et bioinformatique dans la conduite de projets d'intégration de données de transcriptome en relation avec les données génomiques et cliniques.

Outre une maîtrise de la conception et du développement de bases de données liées à la gestion et l'analyse de grandes quantités de données d'expression génétique (avec une excellente connaissance de Oracle), une sérieuse compétence en informatique générale (particulier en administration UNIX, en algorithmique et en communication Internet) est nécessaire. Des compétences et une expérience acquise en biologie seront vivement appréciées.

MISSIONS

Au sein du programme, il aura la responsabilité de la conception et du développement de la base de données CIT sous le système Oracle, dans un environnement UNIX. Celle-ci devra permettre l'intégration des données génomiques, des données d'expression issues des plate-formes technologiques et des données cliniques

En relation avec les 2 autres chefs de projets, il fera tout le nécessaire pour apporter sa compétence dans la définition de l'architecture de la base de données, faciliter l'intégration de données hétérogènes et l'utilisation interfacée d'applications d'analyses bioinformatiques et statistiques.

Ce poste nécessite une étroite collaboration avec d'une part les responsables de consortiums cliniques, sur la définition des programmes qui seront développées, et avec d'autre part les responsables de plate-formes technologiques où seront produits les expériences de transcriptome.

2) un chef de projet " bioinformatique "

PROFIL

Le poste est destiné à un scientifique ayant une réelle expérience bioinformatique dans la conduite de projets d'intégration de données de transcriptome en relation avec les données génomiques et cliniques.

Outre une maîtrise des domaines de la bioinformatique liées à la gestion et l'analyse de grandes quantités de données de séquences et de cartographie relatives à l'expression génétique, une bonne compétence en informatique générale, en particulier en développement de logiciels, en algorithmique, en bases de données et en communication Internet est nécessaire. Des compétences et une expérience en biologie seront vivement appréciées, de même que des connaissances en statistiques.

MISSIONS

Au sein d'une équipe composée de 3 chefs de projets (BDD, bioinformatique et analyses de données), il aura, sous la direction du coordinateur du volet bioinformatique du programme CIT, la responsabilité de l'intégration des données génomiques, données d'expression issues des plateformes technologiques et données cliniques ainsi que du développement des applications d'analyses bioinformatiques.

En relation avec les 2 autres chefs de projets, il fera tout le nécessaire pour apporter sa compétence en génomique et en bioinformatique dans la définition de l'architecture de la base de données, les outils statistiques d'analyse, et les contrôles de qualité relatives aux données.

Ce poste nécessite une étroite collaboration avec d'une part les responsables de consortiums cliniques, sur la définition des programmes qui seront développées, et avec d'autre part les responsables de plate-formes technologiques où seront produits les expériences de transcriptome.

3) un chef de projet " Analyse de données et statistique "

PROFIL

Le poste est destiné à un scientifique ayant une solide expérience d'analyse de données et de statistiques dans la conduite de projets de transcriptome en relation avec les données génomiques et cliniques.

Le poste requiert une excellente connaissance des méthodes statistiques et d'analyses de données classiques ou symboliques appliquées au transcriptome. Une bonne connaissance des domaines de l'informatique et de la bioinformatique liés à la gestion et l'analyse de grandes quantités de données de séquences

et de cartographie relatives à l'expression génétique, ainsi que des compétences et une expérience en biologie seront vivement appréciées.

MISSIONS

Au sein d'une équipe composée de 3 chefs de projets (BDD, bioinformatique et analyses de données), il aura, sous la direction du coordinateur du volet bio-informatique du programme CIT, la responsabilité de la mise en place et de l'utilisation des méthodes statistiques et d'analyse de données qui donneront au programme CIT toute sa valeur, d'une part par la mise en place de critères statistiques de qualité sur les données acquises, et d'autre part par une possibilité de croisements complexes entre données génomiques, données cytogénétiques, données d'expression issues des plateformes technologiques et données cliniques .

En relation avec les 2 autres chefs de projets, il fera tout le nécessaire pour apporter sa compétence en analyse de données dans la définition de l'architecture de la base de données générale et de l'interfaçage des outils statistiques d'analyse. Il sera essentiel dans la mise en place des programmes d'analyses permettant de répondre aux questions posées par les cliniciens et conduisant à la valorisation du programme en termes de connaissance fondamentale et de pronostic médical.

Ce poste nécessite une étroite collaboration avec d'une part les responsables de consortiums cliniques, sur la définition des programmes qui seront développés, et avec d'autre part les responsables de plate-formes technologiques où seront produites les expériences de transcriptome.

LIEU DE TRAVAIL POUR LES 3 POSTES

L'activité liée au programme CIT3 se déroulera dans les locaux du CNS (Centre National de Séquençage) à Evry où seront mis en les ressources informatiques propres au programme. Elle sera en étroite relation avec l'équipe informatique du CNS, qui sera par ailleurs responsable de l'hébergement et de l'administration générale de l'infrastructure CIT3. Les postes nécessitent par ailleurs une bonne disponibilité avec la nécessité de déplacements pour planifier, animer et coordonner les activités des différents acteurs.

Les candidats doivent adresser leur candidature accompagné d'un CV à :

Mme Jacqueline Metral,
Ligue contre le Cancer, rue Corvisart, 75013 PARIS

De préférence par e-mail : metralj@ligue-cancer.net