

- Projet GriPPS -**Proposition de thèse****Modélisation et évaluation d'algorithmes bioinformatiques dans un contexte de Grilles Informatiques (GRID)**

Vous êtes diplômé(e) d'un DEA dans les domaines de la Bioinformatique ou de l'Informatique, et vous avez envie de compléter vos compétences dans un domaine d'actualité en Informatique et en Bioinformatique. Venez travailler avec nous dans le domaine du « grid computing » et de la Post-Génomique.

Vous travaillerez à la modélisation et à l'évaluation d'algorithmes bioinformatiques dans un contexte de grille informatique – GRID, avec comme première application les algorithmes développés dans le cadre du projet GriPPS. La Génomique doit faire face à des quantités de données de plus en plus importantes produites par les différents programmes d'acquisition à grande échelle: séquençages de génomes complets, protéomiques à grande échelle, ... L'analyse de ces données demande des ressources informatiques très importantes et difficiles à mettre en oeuvre à l'heure actuelle au sein d'un laboratoire. Le « grid computing », ou Grille de Ressources Informatiques Distribuées, permettra à terme de répondre efficacement à ces nouveaux besoins de la Génomique à grande échelle. Ce domaine de recherche en Informatique est actuellement en plein développement au travers de différents projets comme DataGRID, EuroGRID, DataTag, ACI GRID, e-Toile,...

Dans le cadre du projet GriPPS à la frontière de la Bioinformatique et de l'Informatique, nous proposons un sujet de thèse dont l'objectif est de définir des modèles permettant d'évaluer et de prédire le comportement d'un algorithme bioinformatique dans un contexte de grilles informatiques. Le projet GriPPS est soutenu par l'ACI GRID 2002 du Ministère de la Recherche. Cette thèse s'intégrera au sein de nos autres développements de Grille pour la Génomique au sein des projets DataGRID et e-Toile.

Compétences requises:

- DEA de Bioinformatique ou d'Informatique
- Algorithmie, modélisation, architecture parallèle ou distribuée
- Des connaissances des algorithmes standards de la bioinformatique moléculaire seraient un plus.

Contrat:

Statut: Allocataire de recherche du Ministère

Disponibilité: Dès l'automne 2002

Lieu: Lyon, France

Pôle BioInformatique de Lyon - PBIL

IBCP - CNRS UMR 5086

7, passage du Vercors

69367 Lyon Cedex 07

Contact:

- **Christophe Blanchet**
- Christophe.Blanchet@ibcp.fr
- tél: 04 72 72 26 47